

**Classe des Sciences naturelles et médicales**  
**Klasse voor Natuur- en Geneeskundige Wetenschappen**

25.II.2020

**Epidemiologie en genetische diversiteit van *Taenia asiatica*:  
een systematische review**

door

Pierre DORNY\*

TREFWOORDEN. — Lintwormen; Azië; Epidemiologie; Genetica.

SAMENVATTING. — De runderlintworm *Taenia saginata* en de varkenslintworm *T. solium* waren lang de enige bekende menselijke *Taenia* soorten. In de jaren zestig werden *T. saginata*-achtige lintwormen beschreven in een inheemse populatie in Taiwan die zich onthouden van de consumptie van rundsvlees. Het werd later duidelijk dat deze lintwormen tot een nieuwe soort behoorden, *Taenia asiatica* genaamd, dat morfologisch en genetisch dichtbij *T. saginata* staat, maar varkens als tussengastheer gebruikt, zoals *T. solium*. Mensen worden besmet door het eten van rauwe of onvoldoende gekookte varkenslever of ingewanden. De specifieke omstandigheden die nodig zijn om de levenscyclus te voltooien verklaren waarom de overdracht van *T. asiatica* een belangrijke ethnogeografische associatie vertoont. De genetische diversiteit van *T. asiatica* is zeer minimaal en er bestaan hybriden tussen *T. asiatica* en *T. saginata*, wat aangeeft dat *T. asiatica* op het punt van uitsterven staat.

KEYWORDS. — Tapeworms; Asia; Epidemiology; Genetics.

SUMMARY. — *Epidemiology and Genetic Diversity of Taenia asiatica: A Systematic Review*. — The beef tapeworm *Taenia saginata* and the pork tapeworm *T. solium* have long been the only known human *Taenia* species. In the 1960s *T. saginata*-like tapeworms were described in an aboriginal population in Taiwan that refrain from consuming beef. Later on it became clear that these tapeworms belonged to a new species, called *Taenia asiatica*, which is morphologically and genetically close to *T. saginata* but uses pigs as intermediate hosts, similar to *T. solium*. Humans get infected by consuming raw or poorly cooked pig liver or viscera. These specific conditions needed to complete the life cycle explain why the transmission of *T. asiatica* shows an important ethnogeographical association. The genetic diversity of *T. asiatica* is very small and hybrids between *T. asiatica* and *T. saginata* exist, indicating that *T. asiatica* may be on the verge of extinction.

---

\* Lid van de Academie.

If you wish to contact this author, please contact the secretariat of the Academy  
[contact\\_raos@kaowarsom.be](mailto:contact_raos@kaowarsom.be)